

# 9<sup>ème</sup> JOURNEES **LIPIDOMYSTES**

<http://lipidomystes.gerli.com/>

03-04 OCTOBRE 2019, COMPIEGNE



## PROGRAMME 03-04-OCTOBRE 2019



03-04 OCTOBRE 2019, COMPIEGNE



## Jeudi 3 Octobre 2019

8h30-9h00 : Accueil-enregistrement, Accueil café et viennoiseries

9h00-9h15 : Présentation générale des deux journées

### Session 1 : Les flux métaboliques (1/2)

Les flux métaboliques comprennent de nombreuses techniques de modèle sous contraintes tels que la 13C-MFA, la INST-MFA, ou la FBA. Il s'agit ici d'apprécier les différentes techniques pour répondre aux questions scientifiques.

9h15-10h00 : **Jean-Charles Portais** : La fluxomique : Définition, méthodes et usages (FBA, 13C-MFA, INST-MFA). (25 minutes de présentation + 20 minutes de discussion)

10h00-10h25 : **Justine Bertrand-Michel** : Enrichissements isotopiques des espèces lipidiques par GC-MS, étude en cancérologie. (15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

10h25-10h45 : **Sébastien Acket** : Intérêt bio (13C-MFA) : Calcul de flux dans les cellules synthétisant et accumulant des lipides. (15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

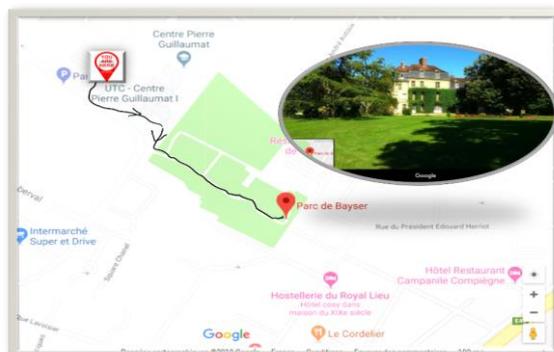
### 10h45-11h15: PAUSE-CAFÉ

11h15-11h40 : **Michael Croyal** : Les traceurs humains. (15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

11h40-12h05 : **Laure Meiller ou Valerie Sauvinet** : Utilisation de traceur chez l'homme

12h05-12h25 : **Sponsor : ABCIEX**. (20 minutes de présentation + discussion sur stand)

12h30-14h00: Buffet déjeunatoire au château de Bayser, ancienne résidence de Coco Chanel



03-04 OCTOBRE 2019, COMPIEGNE



## Session 2 : Quantification par standards marqués

Pour obtenir les cartes de flux (modèle MFA, INST-MFA ou FBA), il est nécessaire de quantifier les métabolites soit pour déterminer les flux extracellulaires, soit pour déterminer si l'on est à l'état métabolique stationnaire et ainsi entrer ces tailles de pools dans le modèle (INST-MFA). Parmi les métabolites accumulés, on retrouve des lipides qui sont produits dans les cellules (flux extracellulaires).

14h00-14h35 : **Floriant Bellvert** : Génération des standards marqués, méthodes et usages.  
(25 minutes de présentation + 15 minutes de discussion)

14h35-15h00 : **Thais Hautbergue** : Standards marqués <sup>13</sup>C pour la normalisation de batches  
(15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

15h00-15h25 : **Juliette Jouhet** : Marquages Particuliers pour les flux de synthèses et <sup>13</sup>C RMN  
(15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

15h25-15h50 : XXX : XXX  
(15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

15h50-16h15: PAUSE-CAFE

## Session 3 : La spectrométrie isotopique

Dans le cadre de cette session, il sera question d'apprécier l'utilisation de la spectrométrie à rapport isotopique dans le domaine des lipides. Il s'agit d'une technique méconnue qui permet de mesurer l'abondance relative des différents isotopes non radiogéniques d'un même élément chimique. Qu'en est-il de l'utilisation de cette technique en France ?

16h15-17h00 : **Tarik Meziane** : La spectrométrie isotopique, Définition, méthodes et usages (EA-IRMS, GC-IRMS, LC-IRMS).  
(25 minutes de présentation + 20 minutes de discussion)

17h00-17h25 : **Rudolph Corvaisier** : Un exemple  
(15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

17h25-18h00 : **Sponsor : Shimadzu**. (35 minutes de présentation + discussion sur stand)

18h00-18h05 : **Justine Bertrand-Michel** : Un point sur la communauté international et la lipidomics Standard Initiative 1 an après ?

18h05-18h35 : Discussions – Assemblée générale du Réseau des Lipidomystes

20h00 : COCKTAIL DINATOIRE (le 7<sup>ième</sup> art, 1bis Place Saint-Jacques, 60200 Compiègne)

03-04 OCTOBRE 2019, COMPIEGNE



SHIMADZU



## Vendredi 04 Octobre 2019

### Session 4 : Les solutions bio-informatiques pour l'analyse des lipides dans les échantillons biologiques et leurs identifications

Les solutions bio-informatiques concernant l'analyse des lipides prennent une ampleur considérable. Il s'agira ici d'apprécier les potentialités des logiciels utilisés dans la communauté

9h00-9h25 : **Sébastien Acket** : Overviews des logiciels et des bases de données\_1 : Retour d'expérience sur du traitement des données par MZmine2 et par réseaux moléculaires (Lipid\_Match, GNPS, METGEM). (15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

9h25-9h50 : **Yann Guiton** : Overviews des logiciels et des bases de données\_2 : W4M et autres (15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

09h50-10h15 : **Pauline Le Faouder** : Overviews des logiciels et des bases de données\_3 : Ms\_Dial VS W4M (15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

10h15-10h40 : **Spiro Kouhry** : Overviews des logiciels et des bases de données\_4 : ALEX (15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

10h40-11h00 : **Sponsor : CHROMACIM** (20 minutes de présentation)

11h00-11h30 : PAUSE-CAFE

### Session 5 : Analyse globale, Comment structurer les données et partager les données ?

Dans le cadre de cette session, il s'agira de savoir comment structurer les données et les partager. Le 1<sup>er</sup> niveau de structuration s'élabore sur un langage commun d'annotation, le second par la structuration des données lipidiques et le troisième niveau par la présence de structure correspondant à des lieux de dépôt des données.

11h30-11h55 : **Eric Gontier** : L'annotation, une histoire de nomenclature (15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

11h55-12h20 : **David TOUBOUL** : La structuration des données : A quoi sert les réseaux moléculaires ?  
Initiation à METGEM : Guide pratique (15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

12h20-12h30 : **Gregory Genta-Jouve** : MetWork, a web server for natural product anticipation (10 minutes de présentation)

12h30-13h20 : Buffet déjeunatoire le hall de PG2

03-04 OCTOBRE 2019, COMPIEGNE



SHIMADZU



## Session 6 : Analyse ciblées des lipides

13h20-14h05 : XXXX : Sphingosine-1-phosphate: Challenge et détection  
(25 minutes de présentation + 20 minutes de discussion)

14h05-14h30: **Anthony Tournade** : Méthode de quanti  
(15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

14h30-14h55: XXXX  
(15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

14h55-15h20: XXXX  
(15 minutes de présentation + 10 minutes de discussion)

15h20-15h30: Conclusion des journées – Présentation des journées du Réseau 2020-Bordeaux ?

3 trains pour le retour :

Train pour Paris à 14h00-14h41

Train pour Paris à 16h12-17h23

Train pour Paris à 17h00-17h41

**A demander** **Confirmer**