



Analysez vos données avec **Galaxy** et l'infrastructure **Workflow4metabolomics** !
La prochaine session **Workflow4Experimenters (W4E2020)** aura lieu à **Bruxelles - Belgique** (du **3 au 7 février 2020**). Pendant cette semaine de formation, (dispensée en **Anglais**), vous apprendrez à utiliser l'infrastructure W4M et analyserez vos propres données (**LC-MS, GC-MS, ou RMN**).
Les méthodes et outils seront présentés pendant les sessions du matin. Un tutorat sera organisé pendant les sessions de l'après-midi.



Conférences invitées : **Dr S. Marr** (Leibniz Institute of Plant Biochemistry, Allemagne), **Dr R. Weber** (Phenome Centre Birmingham, Grande Bretagne), **Dr N. Poupin** (Unité Toxalim, INRA Toulouse, France)

Comité scientifique: C. Delporte et P. Van Antwerpen (Université libre de Bruxelles), P. De Tullio (Université de Liège), B. Govaerts (Université Catholique de Louvain), Y. Guitton, J. Saint Vanne (Laberca, Nantes), C. Dalle, M. Pétéra, F. Giacomoni (PFEM INRA, Clermont-Ferrand), G. Le Corguillé, (Abims, Roscoff), B. Diémé (PFEM Université Clermont Auvergne), F. Souard (Université de Grenoble), C. Canlet, J.F. Martin, M. Tremblay-Franco (Toxalim INRA, Toulouse)

Programme et pre-inscriptions : <https://workflow4metabolomics.org/w4e2020> (Date limite de pré-inscription 03/11/2019)
Plus d'informations : contact@workflow4metabolomics.org

W4M est conjointement développé et maintenu par l'Institut Français de Bioinformatique (IFB, nœud Elixir) et l'Infrastructure pour la Métabolomique et la Fluxomique (MetaboHUB).



Cette école est soutenue par le Fonds National de la Recherche Scientifique (Belgique), l'université libre de Bruxelles et le RFMF, et organisée avec l'aide de K. Triqueneaux, Organisation de conférences scientifiques (Université libre de Bruxelles)



A bientôt à Bruxelles!